



SEQUENCE LISTING

<110> WANG, QI ET AL.

<120> RECOMBINANT PROTEINS CONTAINING REPEATING UNITS

<130> MONS:016US

<140> 09/804,733

<141> 2001-03-13

<150> 60/188,990

<151> 2000-03-13

<160> 31

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1

<211> 5

<212> PRT

<213> Euthynnus pelamis

<400> 1

Leu Lys Pro Asn Met

1

5

<210> 2

<211> 4

<212> PRT

<213> Euthynnus pelamis

<400> 2

Lys Pro Asn Met

1

<210> 3

<211> 4

<212> PRT

<213> Euthynnus pelamis

<400> 3

Val Val Tyr Pro

1

<210> 4

<211> 15

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

```
<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(9)
<223> N = A, C, G or T/U
```

```
<400> 4
ctnaarccna ayatg
```

15

```
<210> 5
<211> 60
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
```

```
<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
      Primer
```

```
<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(54)
<223> N = A, C, G, or T/U
```

```
<400> 5
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 60
```

```
<210> 6
<211> 60
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
```

```
<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
      Primer
```

```
<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(58)
<223> N = A, C, G or T/U
```

```
<400> 6
catrttnggy ttnagcatrt tnggyttnag catrttnggy ttnagcatrt tnggyttnag 60
```

```
<210> 7
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
```

```
<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
      Primer
```

```
<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(18)
```

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 7

aaagaattcc tnaarccnaa yatgc

25

<210> 8

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (18)..(24)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 8

aaagcggccg ccatrttngg yttnagc

27

<210> 9

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<400> 9

taatacgact cactataggg

20

<210> 10

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<400> 10

cgatcaataa cgagtcgcc

19

<210> 11

<211> 48

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic

Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(48)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 11
gtngtntayc cngtngtnta yccngtngtn tayccngtng tntayccn

48

<210> 12
<211> 48
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(46)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 12
nggrtanacn acnggprtana cnacnggrta nacnacnggr tanacnac

48

<210> 13
<211> 33
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(33)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 13
aaaggatccg tngtntaycc ngtngtntay ccn

33

<210> 14
<211> 33
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

<221> modified_base
<222> (10)..(31)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 14
cccaagcttn ggrtanacna cnggrrtanac nac

33

<210> 15
<211> 45
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(45)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 15
gttnccnccng tnccnccngt nccnccngtn ccnccngtnc cnccn

45

<210> 16
<211> 45
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(43)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 16
ngngngnacn ggnngnacng gnggnacnng nggnacnggn ggnac

45

<210> 17
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(36)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 17 aaaggatccg tncnccngt nccnccngtn ccnccn 36

```
<210> 18
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
      Primer
```

```
<220>
<221> modified_base
<222> (10)..(34)
<223> N = A, C, G or T/U
```

<400> 18
aataagcttn ggggnacng gnggnacngg ngnac 36

<210> 19
<211> 8
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:m Synthetic
Peptide

<400> 19
Val Pro Pro Leu Lys Pro Asn Met
1 5

```
<210> 20
<211> 48
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
```

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

```
<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(42)
<223> N = A, C, G or T/U
```

<400> 20
gtnccncnc tnaarccnaa yatggtnccn ccnctnaarc cnaayatg

<210> 21
<211> 48

<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(46)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 21
catr~~t~~n~~g~~gy ttnag~~n~~gn~~g~~ gnaccat~~r~~tt n~~g~~gyttn~~g~~gn~~g~~gnac 48

<210> 22
<211> 58
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(52)
<223> N = A, C, G, T/U

<400> 22
gcatgaattc gtnccnccn~~c~~ tnaarccnaa yatggtnccn ccnctnaarc cnaayatg 58

<210> 23
<211> 84
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (19)..(82)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 23
gcatgcggcc gccat~~r~~t~~n~~g gy~~t~~n~~g~~ncn~~g~~ n~~g~~gnccraan g~~g~~nggnagca tr~~t~~tnggytt 60
n~~g~~ncn~~g~~gn~~g~~ ccraang~~g~~ng gnac 84

<210> 24
<211> 4
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Peptide

<400> 24
Phe Gly Pro Arg
1

<210> 25
<211> 72
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(66)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 25
gtncnccnt tyggncncg nctnaarccn aayatggtnc cnccnttygg nccncgnctn 60
aarcgnaaya tg 72

<210> 26
<211> 72
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(70)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 26
catrttnggy ttnagnncng gnccraangg nggnagcatr ttnggyttna gncgnggncc 60
raanggnggn ac 72

<210> 27
<211> 82
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(76)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 27
gcatgaattc gtnccncnt tyggncncg nctnaarccn aayatggtnc cnccnttygg 60
nccncgncn aarcgnaaya tg 82

<210> 28
<211> 84
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (19)..(82)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 28
gcatgcggcc gccatrttng gyttnagnncg nggnccraan ggnggnagca trtnggytt 60
nagnccnggn ccraanggng gnac 84

<210> 29
<211> 12
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Peptide

<400> 29
Val Pro Pro Phe Gly Pro Arg Leu Lys Pro Asn Met
1 5 10

<210> 30
<211> 615
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(309)
<223> N = A, C, G OR T/U

<400> 30
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 60
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 120
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 180

ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 240
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 300
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 360
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 420
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 480
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 540
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 600
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 615

<210> 31
<211> 397
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(391)
<223> N = A, C, G OR T/U

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<400> 31
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 60
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 120
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 180
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 240
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 300
ganttyggnt trtacgantt yggnttgant tyggnttrta cganttyggnt ttrtacgant 360
tyggnttrta cganttyggnt ttganttygg nttrtac 397